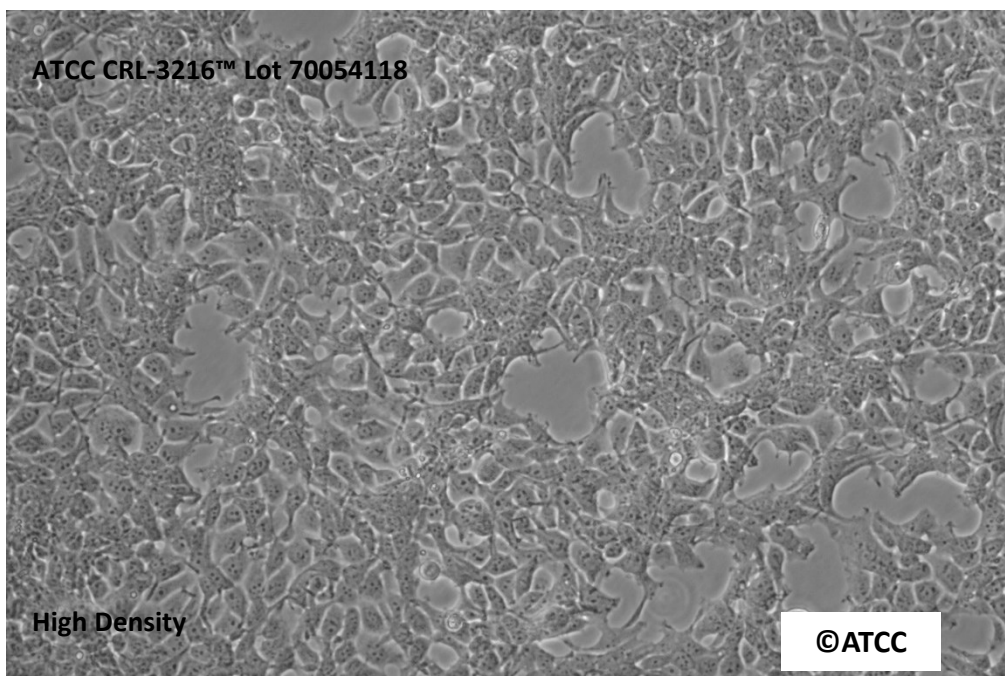
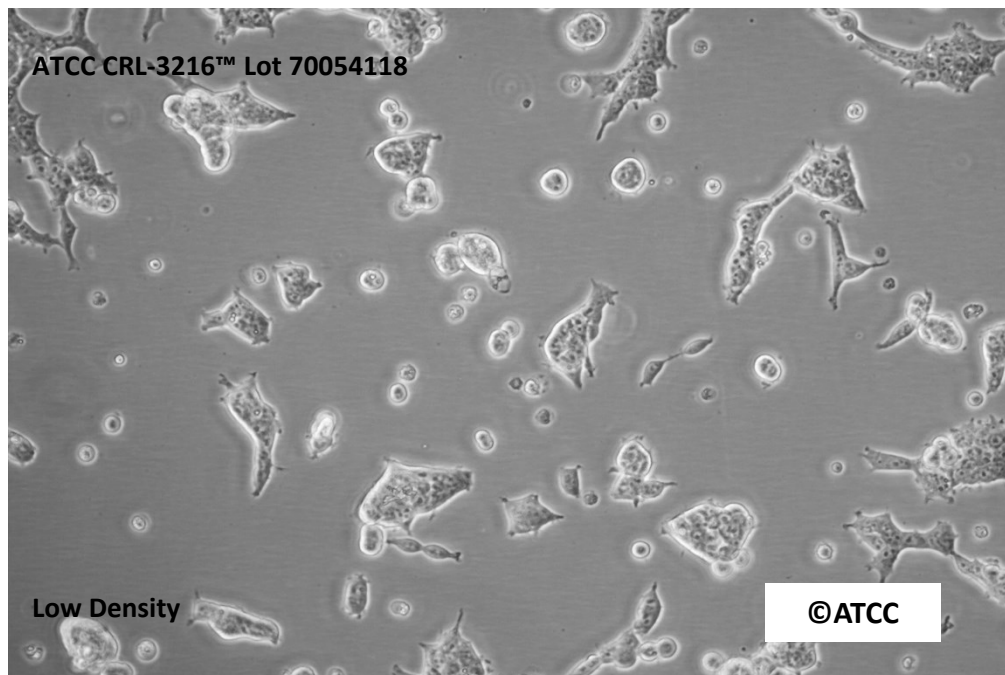
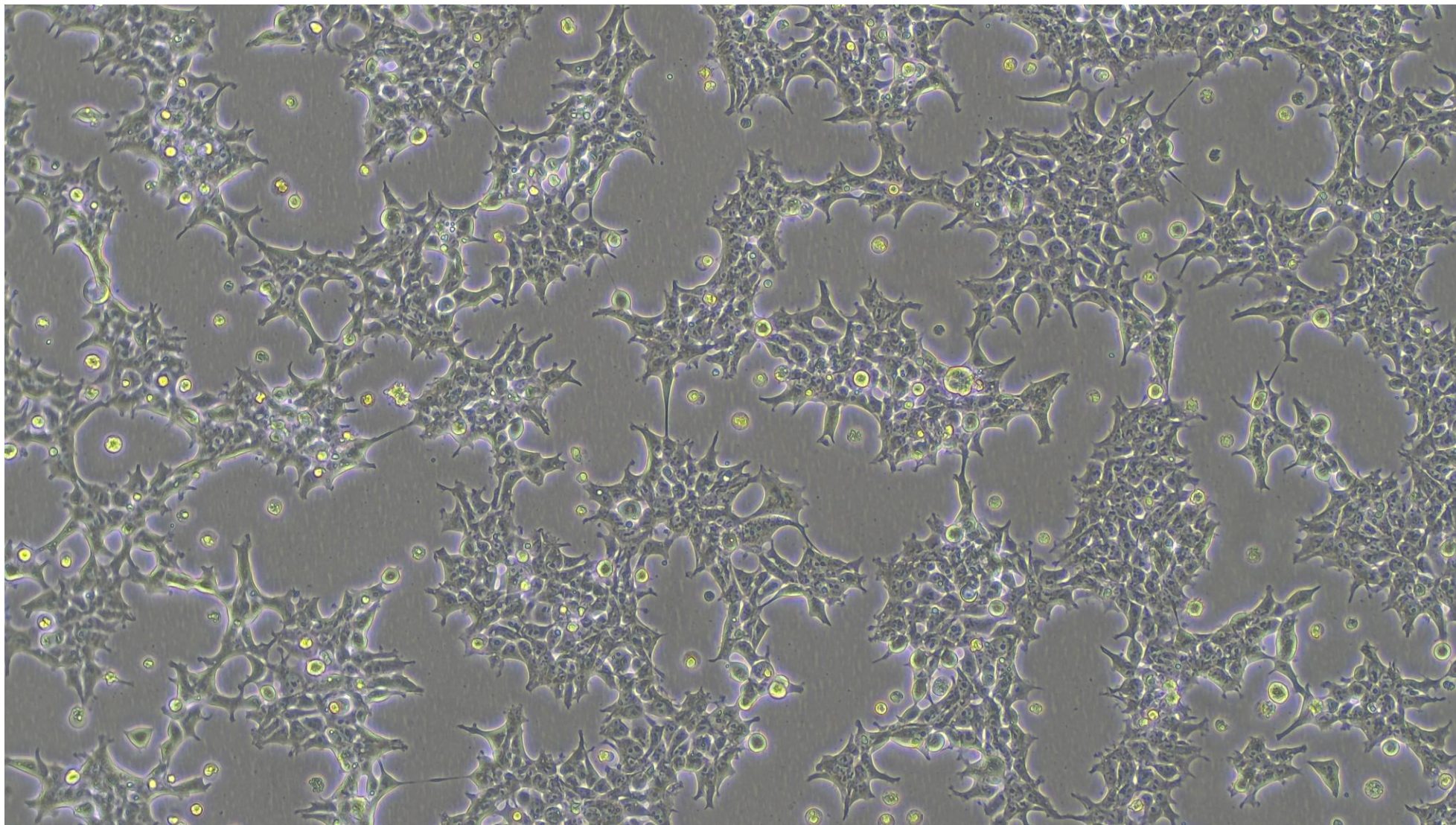




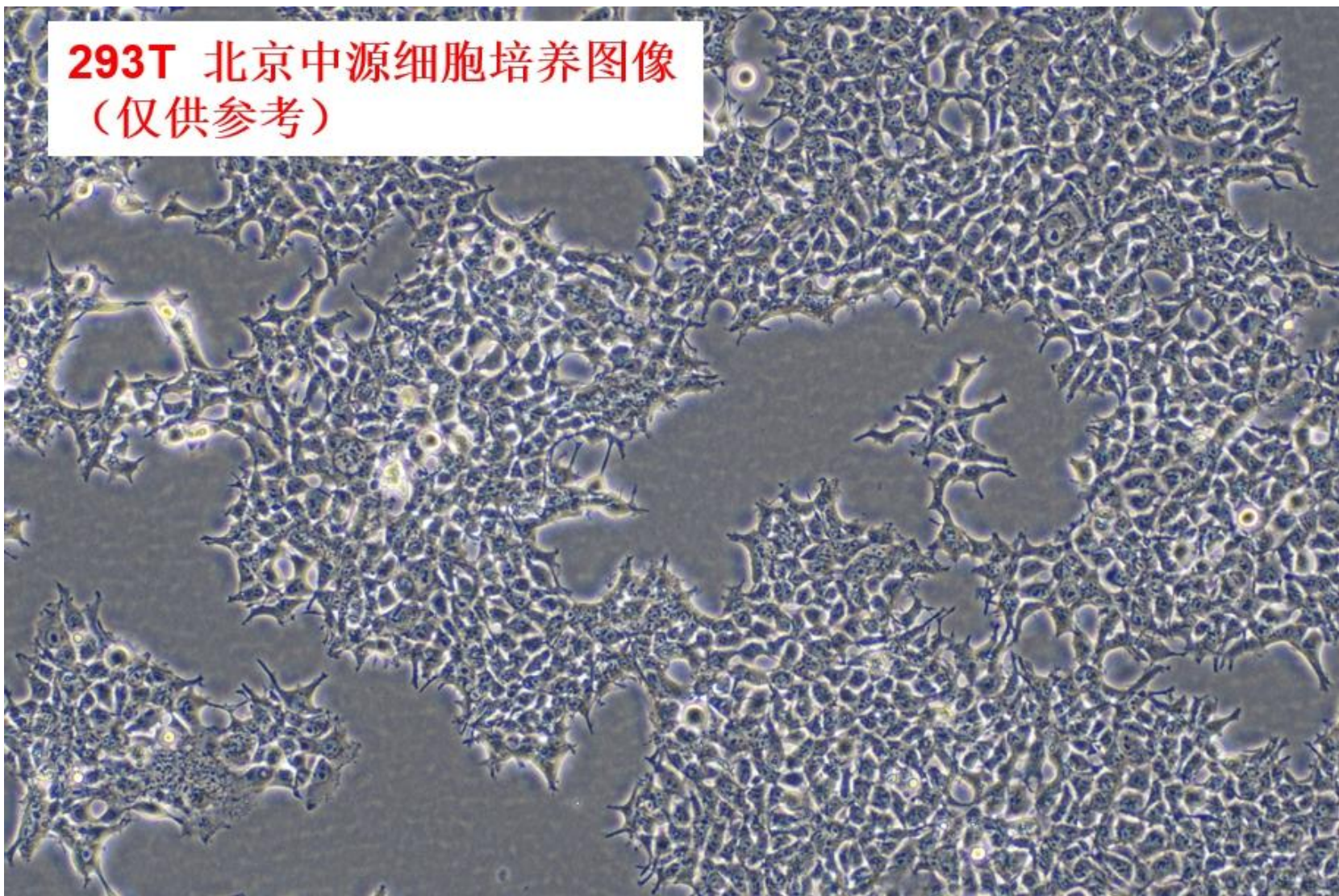
ATCC® | **Credible leads to Incredible™**



CIMR 文库扩增293T细胞



293T 北京中源细胞培养图像
(仅供参考)



STR 细胞鉴定结题报告

订单编号: LWXB25013

报告时间: 2025.08.25

华大基因

项目基本情况			
订单编号	LWXB25013	订单名称	首都医学科学创新中心侯昆 1 个样本细胞鉴定 8.18
客户单位	首都医学科学创新中心	销售姓名	■迪
客户姓名	侯■	项目管理	王■
客户联系方式	1 ■ ■		
项目完成情况			
起始日期	2025.08.18	完成日期	2025.08.25
样品数	1 个		
结算金额	人民币柒佰元整（¥700）		
备注	293T 细胞		

目录

1 实验目的	4
2 实验流程	4
2.1 实验试剂	4
2.2 实验仪器	4
2.3 实验步骤	4
2.4 上机检测	4
3 实验结果	5
3.1293T 检测结果	5
3.1.1 293T 数据	5
3.1.2 293T STR 位点数据比对结果	6
3.1.3 293T STR 图谱	7
4. 参考文献	8

1 实验目的

细胞 STR 信息鉴定：293T

2 实验流程

2.1 实验试剂

华大人类 DNA 分型盒（炎黄）

2.2 实验仪器

GeneAmp® PCR system9700, ABI3730XL

2.3 实验步骤

DNA 提取后，按以下体系进行反应扩增

ddH ₂ O	2 μl
2X Master Mix	5 μl
4X Primer Pair Mix	2 μl
DNA	1 μl
Total	10 μl

PCR 扩增使用 Applied Biosystems 9700 PCR System 进行扩增，PCR 扩增程序如下：

95℃	10min	
95℃	10 sec	} × 28Cycle
58℃	1min	
70℃	20 sec	
60℃	15 min	
4℃	∞	

2.4 上机检测

内标混合：将 PCR 产物与 STR 500 内标，HIDI 混合，混合体系为

STR-500	0.5μl
PCR 产物	1μl
HIDI	8.5μL
Total	10μL

将混合物在 PCR 仪上进行热变性（95℃3min40s），冰中骤冷，待上机。

使用仪器为 3730XL 按仪器操作说明书安装毛细管，进行毛细管位置的校正，人工手动灌胶和建立运行的测序文件。仪器将自动灌胶至毛细管，1.2kV 预电泳 5min，按编程次序自动进样，再预电泳（1.2kV，20min），在 7.5kV 下电泳 2h。电泳结束后仪器会自动清洗，灌胶，进下一样品，预电泳和电泳。每一个样品电泳总时间为 2.5h。电泳结束后仪器会自动分析 STR 图谱。

3 实验结果

3.1293T 检测结果

3.1.1 293T 数据

STR 基因座	293T 检测结果	
	Allele 1	Allele 2
Yindel	-	-
AMEL	X	X
D3S1358	15	17
D13S317	12	14
D7S820	11	11
D16S539	9	13
SE33	20	20
D10S1248	14	14
D5S818	8	9
D21S11	28	28
TPOX	11	11
D1S1656	15	17.3
D6S1043	11	11
DXS6795	9	11
D19S433	18	18
D22S1045	16	16
D8S1179	12	14
Penta E	7	15
DYS391	-	-
D2S441	11	15
D12S391	19	21
D2S1338	19	19
vWA	16	19
Penta D	9	10
TH01	7	9.3
D18S51	17	18
CSF1PO	11	12
FGA	23	23

3.1.2 293T STR 位点数据比对结果

通过 DSMZ 数据库/客户提供细胞信息比对结果如下

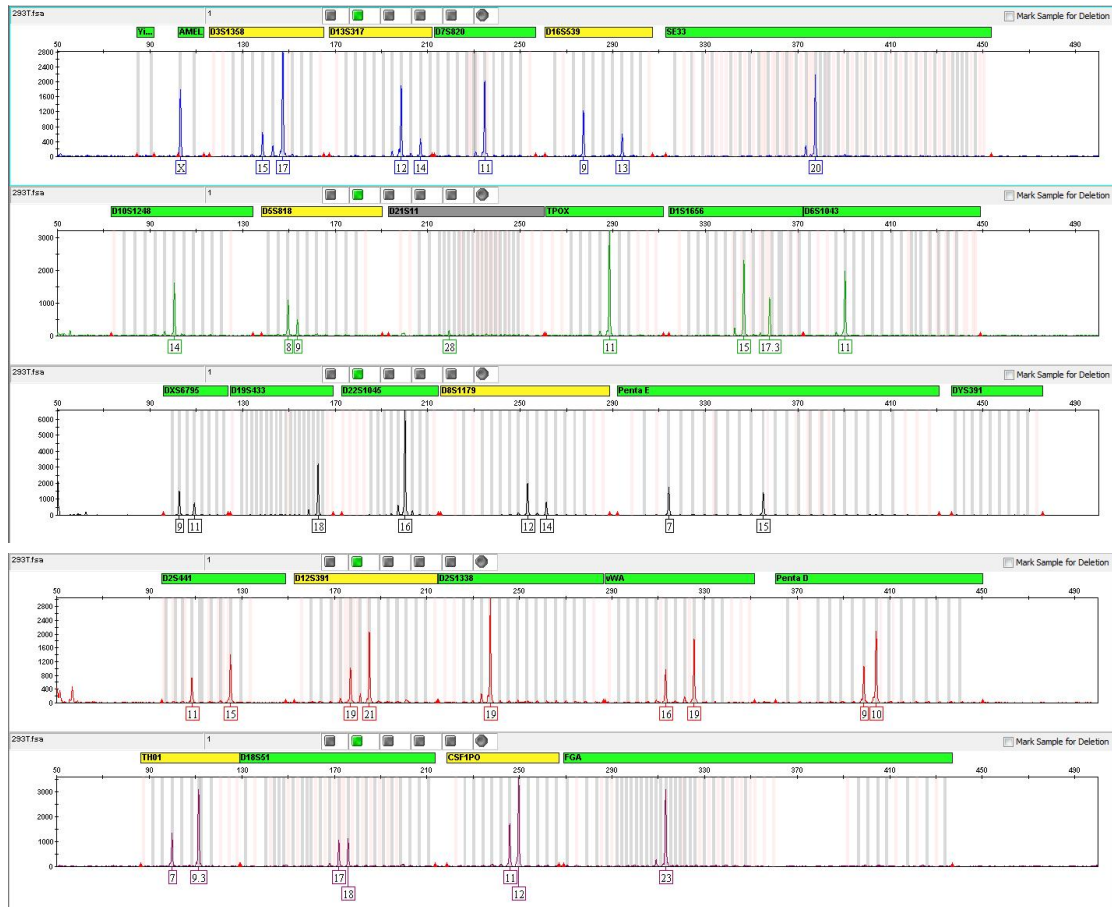
Similarity	Cell line	Source	Locus names								
			D5S818	D7S820	D13S317	D16S539	vWA	TH01	TPOX	CSF1PO	AM
	Your query		8, 9	11, 11	12, 14	9, 13	16, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X
100 %	293T	RCB2202	8, 9	11, 11	12, 14	9, 13	16, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X
100 %	293T	CRL-3216	8, 9	11, 11	12, 14	9, 13	16, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X
100 %	ANJOU65	CRL-11269	8, 9	11, 11	11, 12, 14	9, 13	16, 18, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X
100 %	293T/17 [HEK 293T/17]	CRL-11268	8, 9	11, 11	12, 14	9, 13	16, 18, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X
100 %	HEK 293T/17	ACS-4500	8, 9	11, 11	12, 14	9, 13	16, 19	7, 9.3	11, 11	11, 12	X, X

数据库比对

通过数据库比对，293T 样本的 STR 结果符合数据库的 STR 信息。

注：参考 ANSI/ATCC, Authentication of Human Cell Line Standardization of STR Profiling . 2011, ASN-0002-2011. 标准，STR 检测匹配度超过 80% 即可认为是同一种来源的细胞。

3.1.3 293T STR 图谱



4. 参考文献

- [1] Zhao, M., et al., Assembly and initial characterization of a panel of 85 genomically validated cell lines from diverse head and neck tumor sites. Clin Cancer Res, 2011. 17(23): p. 7248-64.
- [2] Masters, J.R., Cell-line authentication: End the scandal of false cell lines. Nature, 2012. 492(7428): p. 186.
- [3] American Type Culture Collection Standards Development Organization Workgroup, A.S.N., Authentication of Human Cell Lines: Standardization of STR Profiling. 2011, ANSI/ATCC ASN-0002-2011.
- [4] Reid, Y.A., Characterization and authentication of cancer cell lines: an overview. Methods Mol Biol, 2011. 731: p. 35-43.
- [5] Lorsch, J.R., F.S. Collins, and J. Lippincott-Schwartz, Cell Biology. Fixing problems with cell lines. Science, 2014. 346(6216): p. 1452-3.
- [6] Chatterjee, R., Cell biology. Cases of mistaken identity. Science, 2007. 315(5814): p. 928-31.